

Describen por primera vez los genes del olivo



Noticias

Concretamente, se ha secuenciado el 80% de los genes del olivo que están relacionados con el tamaño del árbol, su entrada en producción y la maduración de la aceituna.

Un grupo interdisciplinar de científicos, entre los que se encuentra personal investigador de la **Universidad de Jaén (UJA)**, ha descrito por primera vez el **transcriptoma del olivo**, es decir, la parte del genoma donde se hayan la mayoría de genes y de mayor información relevante.

Este trabajo, desarrollado durante los tres últimos años y publicado en la revista científica **DNA Research Advance Access** bajo el título '**Ensamblaje y anotación funcional del transcriptoma del olivo**', facilitará el desarrollo de proyectos relacionados con la mejora de este árbol y la calidad de su fruto, según un comunicado de la UJA.

Concretamente, se ha secuenciado el **80% de los genes del olivo** que están relacionados con el tamaño del árbol, su entrada en producción y la maduración de la aceituna.

Según Francisco Luque, investigador de la UJA, "por primera vez se describen la mayor parte de genes que tiene el olivo, se identifican y anotan las funciones que tienen, lo que va a servir de herramienta a la comunidad científica para desarrollar aplicaciones concretas para distintos problemas".

Luque explica que este trabajo beneficiará directamente a los **diferentes proyectos de mejora genética** que se desarrollan en Andalucía, "pues redundará en una mayor eficiencia y una reducción de los costes a la hora de obtener nuevas variedades mejoradas".

Para la realización de trabajo se han estudiado distintos tejidos del olivo en diferentes circunstancias posibles, utilizando frutos, raíces, hojas o semillas, en distintos momentos del desarrollo, tanto del fruto como del árbol, de las variedades picual, arbequina y lechín.

"Solamente hemos detectado los genes que son utilizados por las células en cada tejido y momento del desarrollo analizados", ha indicado el profesor del Departamento de Biología Experimental de la UJA.

La investigación se enmarca en el proyecto Oleagen, iniciado en 2008 y financiado por la Fundación Genoma España, IFAPA y Corporación Tecnológica de Andalucía (CTA), cuyo fin era generar el mapa genético del olivo para conseguir información clave para obtener variedades de olivar que garanticen explotaciones más productivas y rentables, así como aceites de mayor calidad o con características más beneficiosas para la salud.

En el mismo ha participado personal investigador de distintas universidades, centros de investigación y empresas privadas como el profesor Victoriano Valpuesta, coordinador del proyecto, y Carmen Beuzón, que coordina el grupo de la Universidad de Málaga; o Francisco Luque y Carmen García-López, de la UJA, además de miembros del Instituto de la Grasa del Consejo Superior de Investigaciones Científicas (CSIC); del Instituto Nacional de Bioinformática; del IFAPA y las empresas Sistemas Genómicos SL y Life Sequencing SL.

Redacción

